

CLUSTAL X (1.81) multiple sequence alignment

BOF

ATTTTATCTTATATAGCAGAAAACGCTGATTTACCTTTTTTACAAAATTCTTTTTATCCA
CASTELLS

ATTTTATCTTATATAGCAGAAAACGCTGATTTACCTTTTTTACAAAATTCTTTTTATCCA
CTG

ATTTTATCTTATATAGCAGAAAACGCTGATTTACCTTTTTTACAAAATTCTTTTTATCCA
VAND

ATTTTATCTTATATAGCAGAAAACGCTGATTTACCTTTTTTACAAAATTCTTTTTATCCA
VEL

ATTTTATCTTATATAGCAGAAAACGCTGATTTACCTTTTTTACAAAATTCTTTTTATCCA
TgCatBr26

ATTTTATCTTATATAGCAGAAAACGCTGATTTACCTTTTTTACAAAATTCTTTTTATCCA
TgCatBr25

ATTTTATCTTATATAGCAGAAAACGCTGATTTACCTTTTTTACAAAATTCTTTTTATCCA
TgCatBr18

ATTTTATCTTATATAGCAGAAAACGCTGATTTACCTTTTTTACAAAATTCTTTTTATCCA
TgCatBr6-20

ATTTTATCTTATATAGCAGAAAACGCTGATTTACCTTTTTTACAAAATTCTTTTTATCCA
TgCatBr5

ATTTTATCTTATATAGCAGAAAACGCTGATTTACCTTTTTTACAAAATTCTTTTTATCCA
TgCatBr9

ATTTTATCTTATATAGCAGAAAACGCTGATTTACCTTTTTTACAAAATTCTTTTTATCCA
RH88

ATTTTATCTTATATAGCAGAAAACGCTGATTTACCTTTTTTACAAAATTCTTTTTATCCA
PTG

ATTTTATCTTATATAGCAGAAAACGCTGATTTACCTTTTTTACAAAATTCTTTTTATCCA
PIH

ATTTTATCTTATATAGCAGAAAACGCTGATTTACCTTTTTTACAAAATTCTTTTTATCCA
MAS

ATTTTATCTTATATAGCAGAAAACGCTGATTTACCTTTTTTACAAAATTCTTTTTATCCA
GT1

ATTTTATCTTATATAGCAGAAAACGCTGATTTACCTTTTTTACAAAATTCTTTTTATCCA
Cougar

ATTTTATCTTATATAGCAGAAAACGCTGATTTACCTTTTTTACAAAATTCTTTTTATCCA
DEG

ATTTTATCTTATATAGCAGAAAACGCTGATTTACCTTTTTTACAAAATTCTTTTTATCCA
ENT

ATTTTATCTTATATAGCAGAAAACGCTGATTTACCTTTTTTACAAAATTCTTTTTATCCA
TgCatBr34

ATTTTATCTTATATAGCAGAAAACGCTGATTTACCTTTTTTACAAAATTCTTTCTACCCA
TgCatBr15

ATTTTATCTTATATAGCAGAAAACGCTGATTTACCTTTTTTACAAAATTCTTTTTATCCA
TgCatBr20

ATTTTATCTTATATAGCAGAAAACGCTGATTTACCTTTTTTACAAAATTCTTTTTATCCA
VEG

ATTTTATCTTATATAGCAGAAAACGCTGATTTACCTTTTTTACAAAATTCTTTTTATCCA
TgCatBr10

ATTTTATCTTATATAGCAGAAAACGCTGATTTACCTTTTTTACAAAATTCTTTTTATCCA
TgCatBr2

ATTTTATCTTATATAGCAGAAAACGCTGATTTACCTTTTTTACAAAATTCTTTTTATCCA
TgCatBr3

ATTTTATCTTATATAGCAGAAAACGCTGATTTACCTTTTTTACAAAATTCTTTTTATCCA
TgCatBr1

ATTTTATCTTATATAGCAGAAAACGCTGATTTACCTTTTTTACAAAATTCTTTTTATCCA
P89

ATTTTATCTTATATAGCAGAAAACGCTGATTTACCTTTTTTACAAAATTCTTTTTATCCA
STRL

ATTTTATCTTATATAGCAGAAAACGCTGATTTACCTTTTTTACAAAATTCTTTTTATCCA
GUY-KOE

ATTTTATCTTATATAGCAGAAAACGCTGATTTACCTTTTTTACAAAATTCTTTTTATCCA
FOU

ATTTTATCTTATATAGCAGAAAACGCTGATTTACCTTTTTTACAAAATTCTTTTTATCCA
GPHT

ATTTTATCTTATATAGCAGAAAACGCTGATTTACCTTTTTTACAAAATTCTTTTTATCCA
CAST

ATTTTATCTTATATAGCAGAAAACGCTGATTTACCTTTTTTACAAAATTCTTTTTATCCA
GUY-DOS

ATTTTATCTTATATAGCAGAAAACGCTGATTTACCTTTTTTACAAAATTCTTTTTATCCA
GUY-MAT

ATTTTATCTTATATAGCAGAAAACGCTGATTTACCTTTTTTACAAAATTCTTTTTATCCA
RUB

ATTTTATCTTATATAGCAGAAAACGCTGATTTACCTTTTTTACAAAATTCTTTTTATCCA
***** **

BOF

GATATTATTGTTGGTGCCTTAGGTATTCCATCTCGCATGAATTTAGGACAATTATTTGAA
CASTELLS

GATATTATTGTTGGTGCCTTAGGTATTCCATCTCGCATGAATTTAGGACAATTATTTGAA
CTG

GATATTATTGTTGGTGCCTTAGGTATTCCATCTCGCATGAATTTAGGACAATTATTTGAA
VAND

GATATTATTGTTGGTGCCTTAGGTATTCCATCTCGCATGAATTTAGGACAATTATTTGAA
VEL

GATATTATTGTTGGTGCCTTAGGTATTCCATCTCGCATGAATTTAGGACAATTATTTGAA
TgCatBr26

GATATTATTGTTGGTGCCTTAGGTATTCCATCTCGCATGAATTTAGGACAATTATTTGAA
TgCatBr25

GATATTATTGTTGGTGCCTTAGGTATTCCATCTCGCATGAATTTAGGACAATTATTTGAA

TgCatBr18
GATATTATTGTTGGTGCCTTAGGTATTCCATCTCGCATGAATTTAGGACAATTATTTGAA
TgCatBr6-20
GATATTATTGTTGGTGCCTTAGGTATTCCATCTCGCATGAATTTAGGACAATTATTTGAA
TgCatBr5
GATATTATTGTTGGTGCCTTAGGTATTCCATCTCGCATGAATTTAGGACAATTATTTGAA
TgCatBr9
GATATTATTGTTGGTGCCTTAGGTATTCCATCTCGCATGAATTTAGGACAATTATTTGAA
RH88
GATATTATTGTTGGTGCCTTAGGTATTCCATCTCGCATGAATTTAGGACAATTATTTGAA
PTG
GATATTATTGTTGGTGCCTTAGGTATTCCATCTCGCATGAATTTAGGACAATTATTTGAA
PIH
GATATTATTGTTGGTGCCTTAGGTATTCCATCTCGCATGAATTTAGGACAATTATTTGAA
MAS
GATATTATTGTTGGTGCCTTAGGTATTCCATCTCGCATGAATTTAGGACAATTATTTGAA
GT1
GATATTATTGTTGGTGCCTTAGGTATTCCATCTCGCATGAATTTAGGACAATTATTTGAA
Cougar
GATATTATTGTTGGTGCCTTAGGTATTCCATCTCGCATGAATTTAGGACAATTATTTGAA
DEG
GATATTATTGTTGGTGCCTTAGGTATTCCATCTCGCATGAATTTAGGACAATTATTTGAA
ENT
GATATTATTGTTGGTGCCTTAGGTATTCCATCTCGCATGAATTTAGGACAATTATTTGAA
TgCatBr34
GATATTATTGTTGGTGCCTTAGGTATTCCATCTCGCATGAATTTAGGACAATTATTTGAA
TgCatBr15
GATATTATTGTTGGTGCCTTAGGTATTCCATCTCGCATGAATTTAGGACAATTATTTGAA
TgCatBr20
GATATTATTGTTGGTGCCTTAGGTATTCCATCTCGCATGAATTTAGGACAATTATTTGAA
VEG
GATATTATTGTTGGTGCCTTAGGTATTCCATCTCGCATGAATTTAGGACAATTATTTGAA
TgCatBr10
GATATTATTGTTGGTGCCTTAGGTATTCCATCTCGCATGAATTTAGGACAATTATTTGAA
TgCatBr2
GATATTATTGTTGGTGCCTTAGGTATTCCATCTCGCATGAATTTAGGACAATTATTTGAA
TgCatBr3
GATATTATTGTTGGTGCCTTAGGTATTCCATCTCGCATGAATTTAGGACAATTATTTGAA
TgCatBr1
GATATTATTGTTGGTGCCTTAGGTATTCCATCTCGCATGAATTTAGGACAATTATTTGAA
P89
GATATTATTGTTGGTGCCTTAGGTATTCCATCTCGCATGAATTTAGGACAATTATTTGAA
STRL
GATATTATTGTTGGTGCCTTAGGTATTCCATCTCGCATGAATTTAGGACAATTATTTGAA
GUY-KOE
GATATTATTGTTGGTGCCTTAGGTATTCCATCTCGCATGAATTTAGGACAATTATTTGAA

FOU
GATATTATTGTTGGTGCCTTAGGTATTCCATCTCGCATGAATTTAGGACAATTATTTGAA
GPHT
GATATTATTGTTGGTGCCTTAGGTATTCCATCTCGCATGAATTTAGGACAATTATTTGAA
CAST
GATATTATTGTTGGCGCCTTAGGTATTCCATCTCGCATGAATTTAGGACAATTATTTGAA
GUY-DOS
GATATTATTGTTGGCGCCTTAGGTATTCCATCTCGCATGAATTTAGGACAATTATTTGAA
GUY-MAT
GATATTATTGTTGGCGCCTTAGGTATTCCATCTCGCATGAATTTAGGACAATTATTTGAA
RUB
GATATTATTGTTGGCGCCTTAGGTATTCCATCTCGCATGAATTTAGGACAATTATTTGAA

BOF
GCTTTAGTTGGGAAAATAAGTTTTTCTTATAATATTAGAATTTTACCTTCATTTACTACT
CASTELLS
GCTTTAGTTGGGAAAATAAGTTTTTCTTATAATATTAGAATTTTACCTTCATTTACTACT
CTG
GCTTTAGTTGGGAAAATAAGTTTTTCTTATAATATTAGAATTTTACCTTCATTTACTACT
VAND
GCTTTAGTTGGGAAAATAAGTTTTTCTTATAATATTAGAATTTTACCTTCATTTACTACT
VEL
GCTTTAGTTGGGAAAATAAGTTTTTCTTATAATATTAGAATTTTACCTTCATTTACTACT
TgCatBr26
GCTTTAGTTGGGAAAATAAGTTTTTCTTATAATATTAGAATTTTACCTTCATTTACTACT
TgCatBr25
GCTTTAGTTGGGAAAATAAGTTTTTCTTATAATATTAGAATTTTACCTTCATTTACTACT
TgCatBr18
GCTTTAGTTGGGAAAATAAGTTTTTCTTATAATATTAGAATTTTACCTTCATTTACTACT
TgCatBr6-20
GCTTTAGTTGGGAAAATAAGTTTTTCTTATAATATTAGAATTTTACCTTCATTTACTACT
TgCatBr5
GCTTTAGTTGGGAAAATAAGTTTTTCTTATAATATTAGAATTTTACCTTCATTTACTACT
TgCatBr9
GCTTTAGTTGGGAAAATAAGTTTTTCTTATAATATTAGAATTTTACCTTCATTTACTACT
RH88
GCTTTAGTTGGGAAAATAAGTTTTTCTTATAATATTAGAATTTTACCTTCATTTACTACT
PTG
GCTTTAGTTGGGAAAATAAGTTTTTCTTATAATATTAGAATTTTACCTTCATTTACTACT
PIH
GCTTTAGTTGGGAAAATAAGTTTTTCTTATAATATTAGAATTTTACCTTCATTTACTACT
MAS
GCTTTAGTTGGGAAAATAAGTTTTTCTTATAATATTAGAATTTTACCTTCATTTACTACT
GT1

GCTTTAGTTGGGAAAATAAGTTTTTCTTATAATATTAGAATTTTACCTTCATTTACTACT
Cougar
GCTTTAGTTGGGAAAATAAGTTTTTCTTATAATATTAGAATTTTACCTTCATTTACTACT
DEG
GCTTTAGTTGGGAAAATAAGTTTTTCTTATAATATTAGAATTTTACCTTCATTTACTACT
ENT
GCTTTAGTTGGGAAAATAAGTTTTTCTTATAATATTAGAATTTTACCTTCATTTACTACT
TgCatBr34
GCTTTAGTTGGGAAAATAAGTTTTTCTTATAATATTAGAATTTTACCTTCATTTACTACT
TgCatBr15
GCTTTAGTTGGGAAAATAAGTTTTTCTTATAATATTAGAATTTTACCTTCATTTACTACT
TgCatBr20
GCTTTAGTTGGGAAAATAAGTTTTTCTTATAATATTAGAATTTTACCTTCATTTACTACT
VEG
GCTTTAGTTGGGAAAATAAGTTTTTCTTATAATATTAGAATTTTACCTTCATTTACTACT
TgCatBr10
GCTTTAGTTGGGAAAATAAGTTTTTCTTATAATATTAGAATTTTACCTTCATTTACTACT
TgCatBr2
GCTTTAGTTGGGAAAATAAGTTTTTCTTATAATATTAGAATTTTACCTTCATTTACTACT
TgCatBr3
GCTTTAGTTGGGAAAATAAGTTTTTCTTATAATATTAGAATTTTACCTTCATTTACTACT
TgCatBr1
GCTTTAGTTGGGAAAATAAGTTTTTCTTATAATATTAGAATTTTACCTTCATTTACTACT
P89
GCTTTAGTTGGGAAAATAAGTTTTTCTTATAATATTAGAATTTTACCTTCATTTACTACT
STRL
GCTTTAGTTGGGAAAATAAGTTTTTCTTATAATATTAGAATTTTACCTTCATTTACTACT
GUY-KOE
GCTTTAGTTGGGAAAATAAGTTTTTCTTATAATATTAGAATTTTACCTTCATTTACTACT
FOU
GCTTTAGTTGGGAAAATAAGTTTTTCTTATAATATTAGAATTTTACCTTCATTTACTACT
GPHT
GCTTTAGTTGGGAAAATAAGTTTTTCTTATAATATTAGAATTTTACCTTCATTTACTACT
CAST
GCTTTAGTTGGGAAAATAAGTTTTTCTTATAATATTAGAATTTTACCTTCATTTACTACT
GUY-DOS
GCTTTAGTTGGGAAAATAAGTTTTTCTTATAATATTAGAATTTTACCTTCATTTACTACT
GUY-MAT
GCTTTAGTTGGGAAAATAAGTTTTTCTTATAATATTAGAATTTTACCTTCATTTACTACT
RUB
GCTTTAGTTGGGAAAATAAGTTTTTCTTATAATATTAGAATTTTACCTTCATTTACTACT

BOF
TCTTCTAATTTATATTTTAATTATCTAAAAATTTAATATATAATTTTTTAATGTTTAAT

CASTELLS

TCTTCTAATTTATATTTTAATTATCTAAAAATTTTAATATATAATTTTTTAATGTTTAAT
CTG

TCTTCTAATTTATATTTTAATTATCTAAAAATTTTAATATATAATTTTTTAATGTTTAAT
VAND

TCTTCTAATTTATATTTTAATTATCTAAAAATTTTAATATATAATTTTTTAATGTTTAAT
VEL

TCTTCTAATTTATATTTTAATTATCTAAAAATTTTAATATATAATTTTTTAATGTTTAAT
TgCatBr26

TCTTCTAATTTATATTTTAATTATCTAAAAATTTTAATATATAATTTTTTAATGTTTAAT
TgCatBr25

TCTTCTAATTTATATTTTAATTATCTAAAAATTTTAATATATAATTTTTTAATGTTTAAT
TgCatBr18

TCTTCTAATTTATATTTTAATTATCTAAAAATTTTAATATATAATTTTTTAATGTTTAAT
TgCatBr6-20

TCTTCTAATTTATATTTTAATTATCTAAAAATTTTAATATATAATTTTTTAATGTTTAAT
TgCatBr5

TCTTCTAATTTATATTTTAATTATCTAAAAATTTTAATATATAATTTTTTAATGTTTAAT
TgCatBr9

TCTTCTAATTTATATTTTAATTATCTAAAAATTTTAATATATAATTTTTTAATGTTTAAT
RH88

TCTTCTAATTTATATTTTAATTATCTAAAAATTTTAATATATAATTTTTTAATGTTTAAT
PTG

TCTTCTAATTTATATTTTAATTATCTAAAAATTTTAATATATAATTTTTTAATGTTTAAT
PIH

TCTTCTAATTTATATTTTAATTATCTAAAAATTTTAATATATAATTTTTTAATGTTTAAT
MAS

TCTTCTAATTTATATTTTAATTATCTAAAAATTTTAATATATAATTTTTTAATGTTTAAT
GT1

TCTTCTAATTTATATTTTAATTATCTAAAAATTTTAATATATAATTTTTTAATGTTTAAT
Cougar

TCTTCTAATTTATATTTTAATTATCTAAAAATTTTAATATATAATTTTTTAATGTTTAAT
DEG

TCTTCTAATTTATATTTTAATTATCTAAAAATTTTAATATATAATTTTTTAATGTTTAAT
ENT

TCTTCTAATTTATATTTTAATTATCTAAAAATTTTAATATATAATTTTTTAATGTTTAAT
TgCatBr34

TCTTCTAATTTATATTTTAATTATCTAAAAATTTTAATATATAATTTTTTAATGTTTAAT
TgCatBr15

TCTTCTAATTTATATTTTAATTATCTAAAAATTTTAATATATAATTTTTTAATGTTTAAT
TgCatBr20

TCTTCTAATTTATATTTTAATTATCTAAAAATTTTAATATATAATTTTTTAATGTTTAAT
VEG

TCTTCTAATTTATATTTTAATTATCTAAAAATTTTAATATATAATTTTTTAATGTTTAAT
TgCatBr10

TCTTCTAATTTATATTTTAATTATCTAAAAATTTTAATATATAATTTTTTAATGTTTAAT

TgCatBr2
TCTTCTAATTTATATTTTAATTATCTAAAAATTTAATATATAATTTTTTAATGTTTAAT
TgCatBr3
TCTTCTAATTTATATTTTAATTATCTAAAAATTTAATATATAATTTTTTAATGTTTAAT
TgCatBr1
TCTTCTAATTTATATTTTAATTATCTAAAAATTTAATATATAATTTTTTAATGTTTAAT
P89
TCTTCTAATTTATATTTTAATTATCTAAAAATTTAATATATAATTTTTTAATGTTTAAT
STRL
TCTTCTAATTTATATTTTAATTATCTAAAAATTTAATATATAATTTTTTAATGTTTAAT
GUY-KOE
TCTTCTAATTTATATTTTAATTATCTAAAAATTTAATATATAATTTTTTAATGTTTAAT
FOU
TCTTCTAATTTATATTTTAATTATCTAAAAATTTAATATATAATTTTTTAATGTTTAAT
GPHT
TCTTCTAATTTATATTTTAATTATCTAAAAATTTAATATATAATTTTTTAATGTTTAAT
CAST
TCTTCTAATTTATATTTTAATTATCTAAAAATTTAATATATAATTTTTTAATGTTTAAT
GUY-DOS
TCTTCTAATTTATATTTTAATTATCTAAAAATTTAATATATAATTTTTTAATGTTTAAT
GUY-MAT
TCTTCTAATTTATATTTTAATTATCTAAAAATTTAATATATAATTTTTTAATGTTTAAT
RUB
TCTTCTAATTTATATTTTAATTATCTAAAAATTTAATATATAATTTTTTAATGTTTAAT

BOF
AACTTTAAAAAAGGTTTTAATTGATTATATAATTTAATTTACCAGGAAAATTTATTATT
CASTELLS
AACTTTAAAAAAGGTTTTAATTGATTATATAATTTAATTTACCAGGAAAATTTATTATT
CTG
AACTTTAAAAAAGGTTTTAATTGATTATATAATTTAATTTACCAGGAAAATTTATTATT
VAND
AACTTTAAAAAAGGTTTTAATTGATTATATAATTTAATTTACCAGGAAAATTTATTATT
VEL
AACTTTAAAAAAGGTTTTAATTGATTATATAATTTAATTTACCAGGAAAATTTATTATT
TgCatBr26
AACTTTAAAAAAGGTTTTAATTGATTATATAATTTAATTTACCAGGAAAATTTATTATT
TgCatBr25
AACTTTAAAAAAGGTTTTAATTGATTATATAATTTAATTTACCAGGAAAATTTATTATT
TgCatBr18
AACTTTAAAAAAGGTTTTAATTGATTATATAATTTAATTTACCAGGAAAATTTATTATT
TgCatBr6-20
AACTTTAAAAAAGGTTTTAATTGATTATATAATTTAATTTACCAGGAAAATTTATTATT
TgCatBr5

AACTTTAAAAAAGGTTTTAATTGATTATATAATTTAATTTACCAGGAAAATTTATTATT
TgCatBr9

AACTTTAAAAAAGGTTTTAATTGATTATATAATTTAATTTACCAGGAAAATTTATTATT
RH88

AACTTTAAAAAAGGTTTTAATTGATTATATAATTTAATTTACCAGGAAAATTTATTATT
PTG

AACTTTAAAAAAGGTTTTAATTGATTATATAATTTAATTTACCAGGAAAATTTATTATT
PIH

AACTTTAAAAAAGGTTTTAATTGATTATATAATTTAATTTACCAGGAAAATTTATTATT
MAS

AACTTTAAAAAAGGTTTTAATTGATTATATAATTTAATTTACCAGGAAAATTTATTATT
GT1

AACTTTAAAAAAGGTTTTAATTGATTATATAATTTAATTTACCAGGAAAATTTATTATT
Cougar

AACTTTAAAAAAGGTTTTAATTGATTATATAATTTAATTTACCAGGAAAATTTATTATT
DEG

AACTTTAAAAAAGGTTTTAATTGATTATATAATTTAATTTACCAGGAAAATTTATTATT
ENT

AACTTTAAAAAAGGTTTTAATTGATTATATAATTTAATTTACCAGGAAAATTTATTATT
TgCatBr34

AACTTTAAAAAAGGTTTTAATTGATTATATAATTTAATTTACCAGGAAAATTTATTATT
TgCatBr15

AACTTTAAAAAAGGTTTTAATTGATTATATAATTTAATTTACCAGGAAAATTTATTATT
TgCatBr20

AACTTTAAAAAAGGTTTTAATTGATTATATAATTTAATTTACCAGGAAAATTTATTATT
VEG

AACTTTAAAAAAGGTTTTAATTGATTATATAATTTAATTTACCAGGAAAATTTATTATT
TgCatBr10

AACTTTAAAAAAGGTTTTAATTGATTATATAATTTAATTTACCAGGAAAATTTATTATT
TgCatBr2

AACTTTAAAAAAGGTTTTAATTGATTATATAATTTAATTTACCAGGAAAATTTATTATT
TgCatBr3

AACTTTAAAAAAGGTTTTAATTGATTATATAATTTAATTTACCAGGAAAATTTATTATT
TgCatBr1

AACTTTAAAAAAGGTTTTAATTGATTATATAATTTAATTTACCAGGAAAATTTATTATT
P89

AACTTTAAAAAAGGTTTTAATTGATTATATAATTTAATTTACCAGGAAAATTTATTATT
STRL

AACTTTAAAAAAGGTTTTAATTGATTATATAATTTAATTTACCAGGAAAATTTATTATT
GUY-KOE

AACTTTAAAAAAGGTTTTAATTGATTATATAATTTAATTTACCAGGAAAATTTATTATT
FOU

AACTTTAAAAAAGGTTTTAATTGATTATATAATTTAATTTACCAGGAAAATTTATTATT
GPHT

AACTTTAAAAAAGGTTTTAATTGATTATATAATTTAATTTACCAGGAAAATTTATTATT
CAST

AACTTTAAAAAAGGTTTTAATTGATTATATAATTTAATTTACCAGGAAAATTTATTATT
GUY-DOS
AACTTTAAAAAAGGTTTTAATTGATTATATAATTTAATTTACCAGGAAAATTTATTATT
GUY-MAT
AACTTTAAAAAAGGTTTTAATTGATTATATAATTTAATTTACCAGGAAAATTTATTATT
RUB
AACTTTAAAAAAGGTTTTAATTGATTATATAATTTAATTTACCAGGAAAATTTATTATT

BOF
AGAGATGGAAGAAGCTGGTGAAAATTTAAAATCTTCAGTTCCTTTGTGGAGTTTCTAGGTAT
CASTELLS
AGAGATGGAAGAAGCTGGTGAAAATTTAAAATCTTCAGTTCCTTTGTGGAGTTTCTAGGTAT
CTG
AGAGATGGAAGAAGCTGGTGAAAATTTAAAATCTTCAGTTCCTTTGTGGAGTTTCTAGGTAT
VAND
AGAGATGGAAGAAGCTGGTGAAAATTTAAAATCTTCAGTTCCTTTGTGGAGTTTCTAGGTAT
VEL
AGAGATGGAAGAAGCTGGTGAAAATTTAAAATCTTCAGTTCCTTTGTGGAGTTTCTAGGTAT
TgCatBr26
AGAGATGGAAGAAGCTGGTGAAAATTTAAAATCTTCAGTTCCTTTGTGGAGTTTCTAGGTAT
TgCatBr25
AGAGATGGAAGAAGCTGGTGAAAATTTAAAATCTTCAGTTCCTTTGTGGAGTTTCTAGGTAT
TgCatBr18
AGAGATGGAAGAAGCTGGTGAAAATTTAAAATCTTCAGTTCCTTTGTGGAGTTTCTAGGTAT
TgCatBr6-20
AGAGATGGAAGAAGCTGGTGAAAATTTAAAATCTTCAGTTCCTTTGTGGAGTTTCTAGGTAT
TgCatBr5
AGAGATGGAAGAAGCTGGTGAAAATTTAAAATCTTCAGTTCCTTTGTGGAGTTTCTAGGTAT
TgCatBr9
AGAGATGGAAGAAGCTGGTGAAAATTTAAAATCTTCAGTTCCTTTGTGGAGTTTCTAGGTAT
RH88
AGAGATGGAAGAAGCTGGTGAAAATTTAAAATCTTCAGTTCCTTTGTGGAGTTTCTAGGTAT
PTG
AGAGATGGAAGAAGCTGGTGAAAATTTAAAATCTTCAGTTCCTTTGTGGAGTTTCTAGGTAT
PIH
AGAGATGGAAGAAGCTGGTGAAAATTTAAAATCTTCAGTTCCTTTGTGGAGTTTCTAGGTAT
MAS
AGAGATGGAAGAAGCTGGTGAAAATTTAAAATCTTCAGTTCCTTTGTGGAGTTTCTAGGTAT
GT1
AGAGATGGAAGAAGCTGGTGAAAATTTAAAATCTTCAGTTCCTTTGTGGAGTTTCTAGGTAT
Cougar
AGAGATGGAAGAAGCTGGTGAAAATTTAAAATCTTCAGTTCCTTTGTGGAGTTTCTAGGTAT
DEG
AGAGATGGAAGAAGCTGGTGAAAATTTAAAATCTTCAGTTCCTTTGTGGAGTTTCTAGGTAT

ENT

AGAGATGGAAGAAGAACTGGTGTA AAAATTTAAAATCTTCAGTTCCTTTGTGGAGTTTCTAGGTAT

TgCatBr34

AGAGATGGAAGAAGAACTGGTGTA AAAATTTAAAATCTTCAGTTCCTTTGTGGAGTTTCTAGGTAT

TgCatBr15

AGAGATGGAAGAAGAACTGGTGTA AAAATTTAAAATCTTCAGTTCCTTTGTGGAGTTTCTAGGTAT

TgCatBr20

AGAGATGGAAGAAGAACTGGTGTA AAAATTTAAAATCTTCAGTTCCTTTGTGGAGTTTCTAGGTAT

VEG

AGAGATGGAAGAAGAACTGGTGTA AAAATTTAAAATCTTCAGTTCCTTTGTGGAGTTTCTAGGTAT

TgCatBr10

AGAGATGGAAGAAGAACTGGTGTA AAAATTTAAAATCTTCAGTTCCTTTGTGGAGTTTCTAGGTAT

TgCatBr2

AGAGATGGAAGAAGAACTGGTGTA AAAATTTAAAATCTTCAGTTCCTTTGTGGAGTTTCTAGGTAT

TgCatBr3

AGAGATGGAAGAAGAACTGGTGTA AAAATTTAAAATCTTCAGTTCCTTTGTGGAGTTTCTAGGTAT

TgCatBr1

AGAGATGGAAGAAGAACTGGTGTA AAAATTTAAAATCTTCAGTTCCTTTGTGGAGTTTCTAGGTAT

P89

AGAGATGGAAGAAGAACTGGTGTA AAAATTTAAAATCTTCAGTTCCTTTGTGGAGTTTCTAGGTAT

STRL

AGAGATGGAAGAAGAACTGGTGTA AAAATTTAAAATCTTCAGTTCCTTTGTGGAGTTTCTAGGTAT

GUY-KOE

AGAGATGGAAGAAGAACTGGTGTA AAAATTTAAAATCTTCAGTTCCTTTGTGGAGTTTCTAGATAT

FOU

AGAGATGGAAGAAGAACTGGTGTA AAAATTTAAAATCTTCAGTTCCTTTGTGGAGTTTCTAGGTAT

GPHT

AGAGATGGAAGAAGAACTGGTGTA AAAATTTAAAATCTTCAGTTCCTTTGTGGAGTTTCTAGGTAT

CAST

AGAGACGGAAGAAGAACTGGTGTA AAAATTTAAAATCTTCAGTTCCTTTGTGGAGTTTCTAGGTAT

GUY-DOS

AGAGATGGAAGAAGAACTGGTGTA AAAATTTAAAATCTTCAGTTCCTTTGTGGAGTTTCTAGGTAT

GUY-MAT

AGAGATGGAAGAAGAACTGGTGTA AAAATTTAAAATCTTCAGTTCCTTTGTGGAGTTTCTAGGTAT

RUB

AGAGATGGAAGAAGAACTGGTGTA AAAATTTAAAATCTTCAGTTCCTTTGTGGAGTTTCTAGGTAT

BOF

TCAAAATTAATTCATATGATTAAGATAAACTTCATTTTAGAACTACAGGACCTTATACT

CASTELLS

TCAAAATTAATTCATATGATTAAGATAAACTTCATTTTAGAACTACAGGACCTTATACT

CTG

TCAAAATTAATTCATATGATTAAGATAAACTTCATTTTAGAACTACAGGACCTTATACT

VAND

TCAAAATTAATTCATATGATTAAGATAAACTTCATTTTAGAACTACAGGACCTTATACT
VEL
TCAAAATTAATTCATATGATTAAGATAAACTTCATTTTAGAACTACAGGACCTTATACT
TgCatBr26
TCAAAATTAATTCATATGATTAAGATAAACTTCATTTTAGAACTACAGGACCTTATACT
TgCatBr25
TCAAAATTAATTCATATGATTAAGATAAACTTCATTTTAGAACTACAGGACCTTATACT
TgCatBr18
TCAAAATTAATTCATATGATTAAGATAAACTTCATTTTAGAACTACAGGACCTTATACT
TgCatBr6-20
TCAAAATTAATTCATATGATTAAGATAAACTTCATTTTAGAACTACAGGACCTTATACT
TgCatBr5
TCAAAATTAATTCATATGATTAAGATAAACTTCATTTTAGAACTACAGGACCTTATACT
TgCatBr9
TCAAAATTAATTCATATGATTAAGATAAACTTCATTTTAGAACTACAGGACCTTATACT
RH88
TCAAAATTAATTCATATGATTAAGATAAACTTCATTTTAGAACTACAGGACCTTATACT
PTG
TCAAAATTAATTCATATGATTAAGATAAACTTCATTTTAGAACTACAGGACCTTATACT
PIH
TCAAAATTAATTCATATGATTAAGATAAACTTCATTTTAGAACTACAGGACCTTATACT
MAS
TCAAAATTAATTCATATGATTAAGATAAACTTCATTTTAGAACTACAGGACCTTATACT
GT1
TCAAAATTAATTCATATGATTAAGATAAACTTCATTTTAGAACTACAGGACCTTATACT
Cougar
TCAAAATTAATTCATATGATTAAGATAAACTTCATTTTAGAACTACAGGACCTTATACT
DEG
TCAAAATTAATTCATATGATTAAGATAAACTTCATTTTAGAACTACAGGACCTTATACT
ENT
TCAAAATTAATTCATATGATTAAGATAAACTTCATTTTAGAACTACAGGACCTTATACT
TgCatBr34
TCAAAATTAATTCATATGATTAAGATAAACTTCATTTTAGAACTACAGGACCTTATACT
TgCatBr15
TCAAAATTAATTCATATGATTAAGATAAACTTCATTTTAGAACTACAGGACCTTATACT
TgCatBr20
TCAAAATTAATTCATATGATTAAGATAAACTTCATTTTAGAACTACAGGACCTTATACT
VEG
TCAAAATTAATTCATATGATTAAGATAAACTTCATTTTAGAACTACAGGACCTTATACT
TgCatBr10
TCAAAATTAATTCATATGATTAAGATAAACTTCATTTTAGAACTACAGGACCTTATACT
TgCatBr2
TCAAAATTAATTCATATGATTAAGATAAACTTCATTTTAGAACTACAGGACCTTATACT
TgCatBr3
TCAAAATTAATTCATATGATTAAGATAAACTTCATTTTAGAACTACAGGACCTTATACT
TgCatBr1

TCAAAATTAATTCATATGATTAAGATAAACTTCATTTTAGAACTACAGGACCTTATACT
P89
TCAAAATTAATTCATATGATTAAGATAAACTTCATTTTAGAACTACAGGACCTTATACT
STRL
TCAAAATTAATTCATATGATTAAGATAAACTTCATTTTAGAACTACAGGACCTTATACT
GUY-KOE
TCAAAATTAATTCATATGATTAAGATAAACTTCATTTTAGAACTACAGGACCTTATACT
FOU
TCAAAATTAATTCATATGATTAAGATAAACTTCATTTTAGAACTACAGGACCTTATACT
GPHT
TCAAAATTAATTCATATGATTAAGATAAACTTCATTTTAGAACTACAGGACCTTATACT
CAST
TCAAAATTAATTCATATGATTAAGATAAACTTCATTTTAGAACTACAGGACCTTATACT
GUY-DOS
TCAAAATTAATTCATATGATTAAGATAAACTTCATTTTAGAACTACAGGACCTTATACT
GUY-MAT
TCAAAATTAATTCATATGATTAAGATAAACTTCATTTTAGAACTACAGGACCTTATACT
RUB
TCAAAATTAATTCATATGATTAAGATAAACTTCATTTTAGAACTACAGGACCTTATACT

BOF
GAAATTTTACAACAGCCTTTAAAAGGTAAAAAAATTTAGGAGGTCAACGATTTGGAGAA
CASTELLS
GAAATTTTACAACAGCCTTTAAAAGGTAAAAAAATTTAGGAGGTCAACGATTTGGAGAA
CTG
GAAATTTTACAACAGCCTTTAAAAGGTAAAAAAATTTAGGAGGTCAACGATTTGGAGAA
VAND
GAAATTTTACAACAACCTTTAAAAGGTAAAAAAATTTAGGAGGTCAACGATTTGGAGAA
VEL
GAAATTTTACAACAACCTTTAAAAGGTAAAAAAATTTAGGAGGTCAACGATTTGGAGAA
TgCatBr26
GAAATTTTACAACAACCTTTAAAAGGTAAAAAAATTTAGGAGGTCAACGATTTGGAGAA
TgCatBr25
GAAATTTTACAACAACCTTTAAAAGGTAAAAAAATTTAGGAGGTCAACGATTTGGAGAA
TgCatBr18
GAAATTTTACAACAACCTTTAAAAGGTAAAAAAATTTAGGAGGTCAACGATTTGGAGAA
TgCatBr6-20
GAAATTTTACAACAACCTTTAAAAGGTAAAAAAATTTAGGAGGTCAACGATTTGGAGAA
TgCatBr5
GAAATTTTACAACAACCTTTAAAAGGTAAAAAAATTTAGGAGGTCAACGATTTGGAGAA
TgCatBr9
GAAATTTTACAACAACCTTTAAAAGGTAAAAAAATTTAGGAGGTCAACGATTTGGAGAA
RH88
GAAATTTTACAACAACCTTTAAAAGGTAAAAAAATTTAGGAGGTCAACGATTTGGAGAA

PTG
GAAATTTTACAACAACCTTTAAAAGGTAAAAAAATTTAGGAGGTCAACGATTTGGAGAA
PIH
GAAATTTTACAACAACCTTTAAAAGGTAAAAAAATTTAGGAGGTCAACGATTTGGAGAA
MAS
GAAATTTTACAACAACCTTTAAAAGGTAAAAAAATTTAGGAGGTCAACGATTTGGAGAA
GT1
GAAATTTTACAACAACCTTTAAAAGGTAAAAAAATTTAGGAGGTCAACGATTTGGAGAA
Cougar
GAAATTTTACAACAACCTTTAAAAGGTAAAAAAATTTAGGAGGTCAACGATTTGGAGAA
DEG
GAAATTTTACAACAACCTTTAAAAGGTAAAAAAATTTAGGAGGTCAACGATTTGGAGAA
ENT
GAAATTTTACAACAACCTTTAAAAGGTAAAAAAATTTAGGAGGTCAACGATTTGGAGAA
TgCatBr34
GAAATTTTACAACAACCTTTAAAAGGTAAAAAAATTTAGGAGGTCAACGATTTGGAGAA
TgCatBr15
GAAATTTTACAACAGCCTTTAAAAGGTAAAAAAATTTAGGAGGTCAACGATTTGGAGAA
TgCatBr20
GAAATTTTACAACAGCCTTTAAAAGGTAAAAAAATTTAGGAGGTCAACGATTTGGAGAA
VEG
GAAATTTTACAACAGCCTTTAAAAGGTAAAAAAATTTAGGAGGTCAACGATTTGGAGAA
TgCatBr10
GAAATTTTACAACAGCCTTTAAAAGGTAAAAAAATTTAGGAGGTCAACGATTTGGAGAA
TgCatBr2
GAAATTTTACAACAGCCTTTAAAAGGTAAAAAAATTTAGGAGGTCAACGATTTGGAGAA
TgCatBr3
GAAATTTTACAACAGCCTTTAAAAGGTAAAAAAATTTAGGAGGTCAACGATTTGGAGAA
TgCatBr1
GAAATTTTACAACAGCCTTTAAAAGGTAAAAAAATTTAGGAGGTCAACGATTTGGAGAA
P89
GAAATTTTACAACAGCCTTTAAAAGGTAAAAAAATTTAGGAGGTCAACGATTTGGAGAA
STRL
GAAATTTTACAACAGCCTTTAAAAGGTAAAAAAATTTAGGAGGTCAACGATTTGGAGAA
GUY-KOE
GAAATTTTACAACAGCCTTTAAAAGGTAAAAAAATTTAGGAGGTCAACGATTTGGAGAA
FOU
GAAATTTTACAACAGCCTTTAAAAGGTAAAAAAATTTAGGAGGTCAACGATTTGGAGAA
GPHT
GAAATTTTACAACAGCCTTTAAAAGGTAAAAAAATTTAGGAGGTCAACGATTTGGAGAA
CAST
GAAATTTTACAACAGCCTTTAAAAGGTAAAAAAATTTAGGAGGTCAACGATTTGGAGAA
GUY-DOS
GAAATTTTACAACAGCCTTTAAAAGGTAAAAAAATTTAGGAGGTCAACGATTTGGAGAA
GUY-MAT
GAAATTTTACAACAGCCTTTAAAAGGTAAAAAAATTTAGGAGGTCAACGATTTGGAGAA

RUB

GAAATTTTACAACAGCCTTTAAAAGGTAAAAAAATTTAGGAGGTCAACGATTTGGAGAA

BOF

ATGGAGATTTGGGCTTTAGAAGCTTTTGGAGCTTCATATAATTTAAAAGAAATTTAAAT

CASTELLS

ATGGAGATTTGGGCTTTAGAAGCTTTTGGAGCTTCATATAATTTAAAAGAAATTTAAAT

CTG

ATGGAGATTTGGGCTTTAGAAGCTTTTGGAGCTTCATATAATTTAAAAGAAATTTAAAT

VAND

ATGGAGATTTGGGCTTTAGAAGCTTTTGGAGCTTCATATAATTTAAAAGAAATTTAAAT

VEL

ATGGAGATTTGGGCTTTAGAAGCTTTTGGAGCTTCATATAATTTAAAAGAAATTTAAAT

TgCatBr26

ATGGAGATTTGGGCTTTAGAAGCTTTTGGAGCTTCATATAATTTAAAAGAAATTTAAAT

TgCatBr25

ATGGAGATTTGGGCTTTAGAAGCTTTTGGAGCTTCATATAATTTAAAAGAAATTTAAAT

TgCatBr18

ATGGAGATTTGGGCTTTAGAAGCTTTTGGAGCTTCATATAATTTAAAAGAAATTTAAAT

TgCatBr6-20

ATGGAGATTTGGGCTTTAGAAGCTTTTGGAGCTTCATATAATTTAAAAGAAATTTAAAT

TgCatBr5

ATGGAGATTTGGGCTTTAGAAGCTTTTGGAGCTTCATATAATTTAAAAGAAATTTAAAT

TgCatBr9

ATGGAGATTTGGGCTTTAGAAGCTTTTGGAGCTTCATATAATTTAAAAGAAATTTAAAT

RH88

ATGGAGATTTGGGCTTTAGAAGCTTTTGGAGCTTCATATAATTTAAAAGAAATTTAAAT

PTG

ATGGAGATTTGGGCTTTAGAAGCTTTTGGAGCTTCATATAATTTAAAAGAAATTTAAAT

PIH

ATGGAGATTTGGGCTTTAGAAGCTTTTGGAGCTTCATATAATTTAAAAGAAATTTAAAT

MAS

ATGGAGATTTGGGCTTTAGAAGCTTTTGGAGCTTCATATAATTTAAAAGAAATTTAAAT

GT1

ATGGAGATTTGGGCTTTAGAAGCTTTTGGAGCTTCATATAATTTAAAAGAAATTTAAAT

Cougar

ATGGAGATTTGGGCTTTAGAAGCTTTTGGAGCTTCATATAATTTAAAAGAAATTTAAAT

DEG

ATGGAGATTTGGGCTTTAGAAGCTTTTGGAGCTTCATATAATTTAAAAGAAATTTAAAT

ENT

ATGGAGATTTGGGCTTTAGAAGCTTTTGGAGCTTCATATAATTTAAAAGAAATTTAAAT

TgCatBr34

ATGGAGATTTGGGCTTTAGAAGCTTTTGGAGCTTCATATAATTTAAAAGAAATTTAAAT

TgCatBr15

ATGGAGATTTGGGCTTTAGAAGCTTTTGGAGCTTCATATAATTTAAAAGAAATTTTAAAT
TgCatBr20
ATGGAGATTTGGGCTTTAGAAGCTTTTGGAGCTTCATATAATTTAAAAGAAATTTTAAAT
VEG
ATGGAGATTTGGGCTTTAGAAGCTTTTGGAGCTTCATATAATTTAAAAGAAATTTTAAAT
TgCatBr10
ATGGAGATTTGGGCTTTAGAAGCTTTTGGAGCTTCATATAATTTAAAAGAAATTTTAAAT
TgCatBr2
ATGGAGATTTGGGCTTTAGAAGCTTTTGGAGCTTCATATAATTTAAAAGAAATTTTAAAT
TgCatBr3
ATGGAGATTTGGGCTTTAGAAGCTTTTGGAGCTTCATATAATTTAAAAGAAATTTTAAAT
TgCatBr1
ATGGAGATTTGGGCTTTAGAAGCTTTTGGAGCTTCATATAATTTAAAAGAAATTTTAAAT
P89
ATGGAGATTTGGGCTTTAGAAGCTTTTGGAGCTTCATATAATTTAAAAGAAATTTTAAAT
STRL
ATGGAGATTTGGGCTTTAGAAGCTTTTGGAGCTTCATATAATTTAAAAGAAATTTTAAAT
GUY-KOE
ATGGAGATTTGGGCTTTAGAAGCTTTTGGAGCTTCATATAATTTAAAAGAAATTTTAAAT
FOU
ATGGAGATTTGGGCTTTAGAAGCTTTTGGAGCTTCATATAATTTAAAAGAAATTTTAAAT
GPHT
ATGGAGATTTGGGCTTTAGAAGCTTTTGGAGCTTCATATAATTTAAAAGAAATTTTAAAT
CAST
ATGGAGATTTGGGCTTTAGAAGCTTTTGGAGCTTCATATAATTTAAAAGAAATTTTAAAT
GUY-DOS
ATGGAGATTTGGGCTTTAGAAGCTTTTGGAGCTTCATATAATTTAAAAGAAATTTTAAAT
GUY-MAT
ATGGAGATTTGGGCTTTAGAAGCTTTTGGAGCTTCATATAATTTAAAAGAAATTTTAAAT
RUB
ATGGAGATTTGGGCTTTAGAAGCTTTTGGAGCTTCATATAATTTAAAAGAAATTTTAAAT

BOF
TATAAATCTGATGATTGTTTTGCACGTAATAATCTTAAAGAATATTTATTATTTAGAAAT
CASTELLS
TATAAATCTGATGATTGTTTTGCACGTAATAATCTTAAAGAATATTTATTATTTAGAAAT
CTG
TATAAATCTGATGATTGTTTTGCACGTAATAATCTTAAAGAATATTTATTATTTAGAAAT
VAND
TATAAATCTGATGATTGTTTTGCACGTAATAATCTTAAAGAATATTTATTATTTAGAAAT
VEL
TATAAATCTGATGATTGTTTTGCACGTAATAATCTTAAAGAATATTTATTATTTAGAAAT
TgCatBr26
TATAAATCTGATGATTGTTTTGCACGTAATAATCTTAAAGAATATTTATTATTTAGAAAT

TgCatBr25
TATAAATCTGATGATTGTTTTGCACGTAATAATCTTAAAGAATATTTATTATTTAGAAAT
TgCatBr18
TATAAATCTGATGATTGTTTTGCACGTAATAATCTTAAAGAATATTTATTATTTAGAAAT
TgCatBr6-20
TATAAATCTGATGATTGTTTTGCACGTAATAATCTTAAAGAATATTTATTATTTAGAAAT
TgCatBr5
TATAAATCTGATGATTGTTTTGCACGTAATAATCTTAAAGAATATTTATTATTTAGAAAT
TgCatBr9
TATAAATCTGATGATTGTTTTGCACGTAATAATCTTAAAGAATATTTATTATTTAGAAAT
RH88
TATAAATCTGATGATTGTTTTGCACGTAATAATCTTAAAGAATATTTATTATTTAGAAAT
PTG
TATAAATCTGATGATTGTTTTGCACGTAATAATCTTAAAGAATATTTATTATTTAGAAAT
PIH
TATAAATCTGATGATTGTTTTGCACGTAATAATCTTAAAGAATATTTATTATTTAGAAAT
MAS
TATAAATCTGATGATTGTTTTGCACGTAATAATCTTAAAGAATATTTATTATTTAGAAAT
GT1
TATAAATCTGATGATTGTTTTGCACGTAATAATCTTAAAGAATATTTATTATTTAGAAAT
Cougar
TATAAATCTGATGATTGTTTTGCACGTAATAATCTTAAAGAATATTTATTATTTAGAAAT
DEG
TATAAATCTGATGATTGTTTTGCACGTAATAATCTTAAAGAATATTTATTATTTAGAAAT
ENT
TATAAATCTGATGATTGTTTTGCACGTAATAATCTTAAAGAATATTTATTATTTAGAAAT
TgCatBr34
TATAAATCTGATGATTGTTTTGCACGTAATAATCTTAAAGAATATTTATTATTTAGAAAT
TgCatBr15
TATAAATCTGATGATTGTTTTGCACGTAATAATCTTAAAGAATATTTATTATTTAGAAAT
TgCatBr20
TATAAATCTGATGATTGTTTTGCACGTAATAATCTTAAAGAATATTTATTATTTAGAAAT
VEG
TATAAATCTGATGATTGTTTTGCACGTAATAATCTTAAAGAATATTTATTATTTAGAAAT
TgCatBr10
TATAAATCTGATGATTGTTTTGCACGTAATAATCTTAAAGAATATTTATTATTTAGAAAT
TgCatBr2
TATAAATCTGATGATTGTTTTGCACGTAATAATCTTAAAGAATATTTATTATTTAGAAAT
TgCatBr3
TATAAATCTGATGATTGTTTTGCACGTAATAATCTTAAAGAATATTTATTATTTAGAAAT
TgCatBr1
TATAAATCTGATGATTGTTTTGCACGTAATAATCTTAAAGAATATTTATTATTTAGAAAT
P89
TATAAATCTGATGATTGTTTTGCACGTAATAATCTTAAAGAATATTTATTATTTAGAAAT
STRL
TATAAATCTGATGATTGTTTTGCACGTAATAATCTTAAAGAATATTTATTATTTAGAAAT

GUY-KOE
TATAAATCTGATGATTGTTTTGCACGTAATAATCTTAAAGAATATTTATTATTTAGAAAT
FOU
TATAAATCTGATGATTGTTTTGCACGTAATAATCTTAAAGAATATTTATTATTTAGAAAT
GPHT
TATAAATCTGATGATTGTTTTGCACGTAATAATCTTAAAGAATATTTATTATTTAGAAAT
CAST
TATAAATCTGATGATTGTTTTGCACGTAATAATCTTAAAGAATATTTATTATTTAGAAAT
GUY-DOS
TATAAATCTGATGATTGTTTTGCACGTAATAATCTTAAAGAATATTTATTATTTAGAAAT
GUY-MAT
TATAAATCTGATGATTGTTTTGCACGTAATAATCTTAAAGAATATTTATTATTTAGAAAT
RUB
TATAAATCTGATGATTGTTTTGCACGTAATAATCTTAAAGAATATTTATTATTTAGAAAT

BOF	ACTGAACTACAAAATTCAACTATTAC
CASTELLS	ACTGAACTACAAAATTCAACTATTAC
CTG	ACTGAACTACAAAATTCAACTATTAC
VAND	ACTGAACTACAAAATTCAACTATTAC
VEL	ACTGAACTACAAAATTCAACTATTAC
TgCatBr26	ACTGAACTACAAAATTCAACTATTAC
TgCatBr25	ACTGAACTACAAAATTCAACTATTAC
TgCatBr18	ACTGAACTACAAAATTCAACTATTAC
TgCatBr6-20	ACTGAACTACAAAATTCAACTATTAC
TgCatBr5	ACTGAACTACAAAATTCAACTATTAC
TgCatBr9	ACTGAACTACAAAATTCAACTATTAC
RH88	ACTGAACTACAAAATTCAACTATTAC
PTG	ACTGAACTACAAAATTCAACTATTAC
PIH	ACTGAACTACAAAATTCAACTATTAC
MAS	ACTGAACTACAAAATTCAACTATTAC
GT1	ACTGAACTACAAAATTCAACTATTAC
Cougar	ACTGAACTACAAAATTCAACTATTAC
DEG	ACTGAACTACAAAATTCAACTATTAC
ENT	ACTGAACTACAAAATTCAACTATTAC
TgCatBr34	ACTGAACTACAAAATTCAACTATTAC
TgCatBr15	ACTGAACTACAAAATTCAACTATTAC
TgCatBr20	ACTGAACTACAAAATTCAACTATTAC
VEG	ACTGAACTACAAAATTCAACTATTAC
TgCatBr10	ACTGAACTACAAAATTCAACTATTAC
TgCatBr2	ACTGAACTACAAAATTCAACTATTAC
TgCatBr3	ACTGAACTACAAAATTCAACTATTAC
TgCatBr1	ACTGAACTACAAAATTCAACTATTAC
P89	ACTGAACTACAAAATTCAACTATTAC
STRL	ACTGAACTACAAAATTCAACTATTAC

GUY-KOE	ACTGAACTACAAAATTCAACTATTAC
FOU	ACTGAACTACAAAATTCAACTATTAC
GPHT	ACTGAACTACAAAATTCAACTATTAC
CAST	ACTGAACTACAAAATTCAACTATTAC
GUY-DOS	ACTGAACTACAAAATTCAACTATTAC
GUY-MAT	ACTGAACTACAAAATTCAACTATTAC
RUB	ACTGAACTACAAAATTCAACTATTAC
